

ANALYSES ÉPIGÉNOMIQUES

20, 21, 22 NOVEMBRE 2019

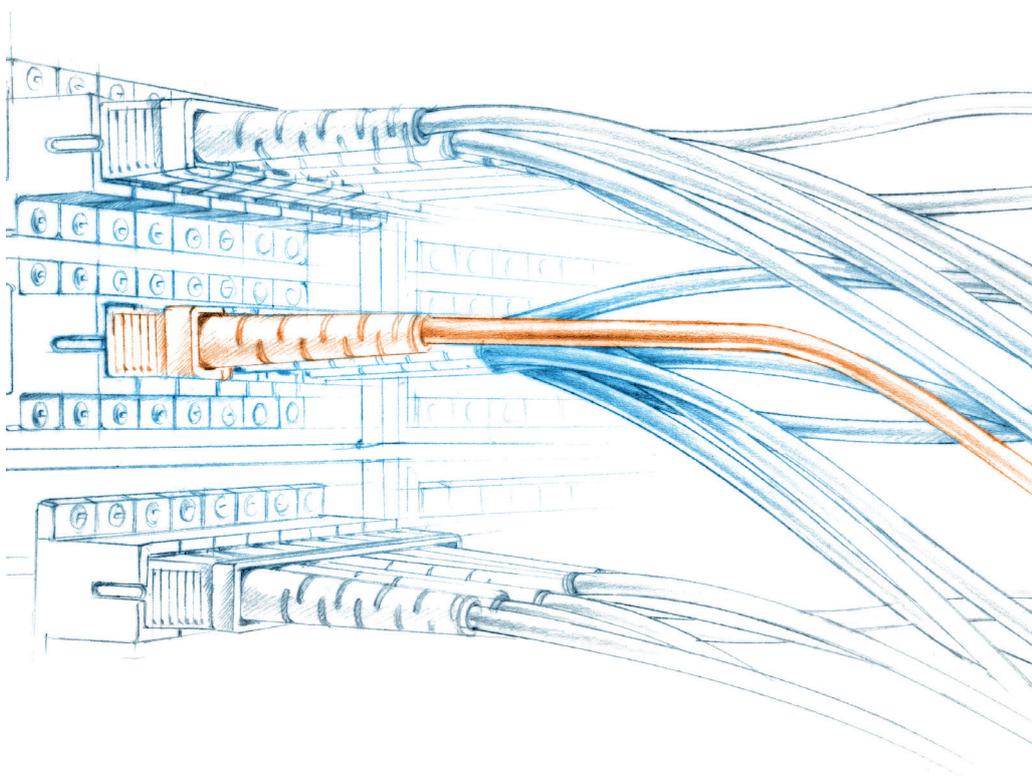
contact@canceropole-idf.fr 

www.canceropole-idf.fr 

@canceropole 

Le cycle de formation «NGS & Cancer» du Cancéropôle Île-de-France vise à permettre aux chercheurs franciliens dans le domaine du cancer débutant en NGS d'apprendre de manière pratique à réaliser un traitement complet de données NGS (Next Generation Sequencing).

Cette session en salle équipée est consacrée aux analyses de données épigénomiques : peak calling, marques d'histones, analyses atac-seq, single-cell épigénomique et initiation à l'analyse de ce type de données sous R.



PROGRAMME

JOUR 1

9h00 - 10h30

10h30 - 12h30

12h30 - 14h00

14h00 - 18h00

MERCREDI 20 NOVEMBRE 2019

Introduction aux NGS et l'analyse de données épigénomique
Contrôle qualité des données, alignements, pré-processing
visualisation sous IGV

Pause déjeuner

Peak calling
Analyse fonctionnelle

JOUR 2

9h00 - 10h00

12h30 - 14h00

14h00 - 16h00

16h00 - 18h00

JEUDI 21 NOVEMBRE 2019

Analyse de données de marques d'histones

Pause déjeuner

Analyses ATAC-seq
Ouverture aux approches single-cell épigénomiques

JOUR 3

9h00 - 10h00

10h00 - 12h30

12h30 - 14h00

14h00 - 17h30

17h30 - 18h00

VENDREDI 22 NOVEMBRE 2019

Remise à niveau en R
Anotation de peaks sous R

Pause déjeuner

Analyses sous R sans peak calling :
- Binning genomic
- Normalization
- Analyse différentielle

Test de connaissance et discussions avec les formateurs