

Séminaire

Impacts du programme « Épigénétique et cancer »

Perspectives de la discipline

Stade Charléty - 17 avenue Pierre-de-Coubertin, 75013 Paris

Programme

Mercredi 20 octobre 2021

9:30 – 10:00	<i>Café d'accueil</i>
10:00 – 10:20	Introduction – Muriel ALTABEF, Aviesan-ITMO Cancer, Paris
10:20 – 10:45	Analyse ex post du programme – François CASTAGNER, Aviesan-ITMO Cancer, Paris
Session « Modifications de l'ADN »	
10:45 – 11:00	Impact des désordres métaboliques sur les modifications épigénétiques dans le cancer – Judith FAVIER, PARCC, Paris
11:00 – 11:15	Analyse des modifications de la méthylation de l'ADN au cours de la tumorigenèse <i>in vivo</i> : Un facteur potentiel de prédiction de la susceptibilité à la tumorigenèse – Marco BRUSCHI, Institut Gustave Roussy, Villejuif
11:15 – 11:30	Roles of O-GlcNAcylation enzymes and TET proteins in the epigenetic regulations in HTLV-1-induced adult T-cell leukemia – Claudine PIQUE, Institut Cochin, Paris
11:30 – 11:45	EpiChem-Seq: Chemical scanning of DNA methylation in leukemia progression and maintenance – Paola Barbara ARIMONDO, Institut Pasteur, Paris
11:45 – 12:00	Histone variants and epigenetics of bone cancer – Ali HAMICHE, IGBMC, Strasbourg
12:00 – 12:15	Evolution of the epigenomic landscape during inflammation-induced cancer – Julien MARIE, CRCL, Lyon
12:15 – 14:00	<i>Pause déjeuner</i>
14:00 – 14:15	GNAS in IPMN and pancreatic adenocarcinoma – Agnès LINGLART, Hôpital Bicêtre, Le Kremlin-Bicêtre
14:15 – 14:30	Screening for epigenetic regulators in colon cancer cells – Michael WEBER, Université de Strasbourg, Strasbourg
14:30 – 14:45	Cytosine modifications, DNA breaks and chromatin organization of estrogen signaling in breast cancer cells (HydrobreakE2) – Gilles SALBERT, IGDR, Rennes

Session « Autres mécanismes de régulation »

- 14:45 – 15:00 **Biological and clinical impact of satellite repeat alterations in lymphoma** – Mary CALLANAN, Unité Lipides Nutrition Cancer, Dijon
- 15:00 – 15:15 **The role of epigenetics and long noncoding RNAs in establishing and maintaining an EMT-specific splicing program** – Reini FERNANDEZ DE LUCA, IGH, Montpellier
- 15:15 – 15:30 **Deregulation of bivalent chromatin domains and epigenetic alterations in gliomas** – Philippe ARNAUD, Université Clermont-Auvergne, Clermont-Ferrand
- 15:30 – 15:45 **Consequences of metabolic reprogramming on epigenetic regulations and cancer stem cell behavior** – Elias EL-HABR, Sorbonne Université, Paris
- 15:45 – 16:00 **Transcriptome non-codant et tumorigenèse de la vessie** – François RADVANYI, Institut Curie, Paris
- 16:00 – 16:15 **LncRNAs function and deregulation in human T-cell acute lymphoblastic leukemia** – Salvatore SPICUGLIA, Aix-Marseille Université, Marseille
- 16:15 – 16:45 Pause café**
- 16:45 – 17:00 **Remodelage chromatinien dans les cancers du foie : conséquences sur l'épigénome et sur la cancérogenèse** – Sabine COLNOT, Institut Cochin, Paris
- 17:00 – 17:15 **Integrative analysis of MITF and its associated PBAF and NURF chromatin remodelling complexes in the epigenetic regulation of gene expression in melanoma** – Irwin DAVIDSON, IGBMC, Strasbourg

Session « Modifications des histones »

- 17:15 – 17:30 **Epigenomics and epiproteomics of proline methylation pathways in cancer** – Robert SCHNEIDER, Helmholtz Zentrum, Munich
- 17:30 – 17:45 **Multiple Myeloma: epigenetic mining and therapeutic targeting** – Jérôme MOREAUX, Institut de recherche en biothérapie, Montpellier
- 17:45 – 18:00 **PARA-CAN: Exploring the role of apicomplexa parasites in the epigenetics of cancer** – Jonathan WEITZMAN, Université de Paris, Paris

